

Załącznik 1:

Wizytówka naukowa kandydata na promotora
maksymalnie 2 strony – powinna to być synteza najważniejszych elementów dorobku

Dr hab. Krzysztof Pawłowski	
Dyscyplina naukowa/dyscypliny naukowe	Nauki biologiczne
Rozwój zawodowy (stopnie i tytuły naukowe) chronologicznie	Dr (biofizyka, IBB PAN), 1997 Dr hab. (n. biol., IBD im. Nenckiego PAN), 2008
Najważniejsze publikacje/patenty/ z ostatnich 3 lat (maksymalnie 10)	<ol style="list-style-type: none">1. <u>Bacterial pseudokinase catalyzes protein polyglutamylation to inhibit the SidE all-in-one ubiquitin ligases.</u> M. Black, A. Osinski, M. Gradowski, K. Servage, K. Pawłowski, D. R. Tomchick, V. S. Tagliabracci. <i>Science</i> (2019) <i>364</i>, 787–792.2. <u>Metabolic control of SHMT2 oligomerization regulates ubiquitin-dependent cytokine signalling.</u> M. Walden, L. Tian, U. M. Sykora, R. Ross, E. L. Hesketh, D. P. Byrne, S. K. Masandi, J. Cassel, R. George, J. R. Ault, F. El Oualid, K. Pawłowski, J. M. Salvino, F. Del Galdo, P. A. Eyers, N. A. Ranson, R. A. Greenberg, E. Zeqiraj. <i>Nature</i> (2019), <i>in the press</i>. doi: 10.1038/s41586-019-1232-13. <u>LTK is an ER-resident receptor tyrosine kinase that regulates secretion.</u> F. G. Centonze, V. Reiterer, K. Nalbach, K. Saito, K. Pawłowski, C. Behrends, H. Farhan. <i>Journal of Cell Biology</i> (2019) <i>in the pres.</i>4. <u>A novel conserved family of Macro-like domains—putative new players in ADP-ribosylation signalling.</u> M. Dudkiewicz, K. Pawłowski <i>PeerJ</i> (2019), <i>7</i>:e6863.5. <u>Quantitative Proteomics Identifies Brain Acid Soluble Protein 1 (BASP1) as a Prognostic Biomarker in Pancreatic Cancer.</u> Q. Zhou, R. Andersson, D. Hu, M. Bauden, A. Sasor, K. Pawłowski, I. Pla Parada, K. Said Hilmersson, M. Zhou, F. Lu, G. Marko-Varga, D. Ansari <i>EBioMedicine</i> (2019) doi: 10.1016/j.ebiom.2019.04.0086. <u>Improved survival prognostication of node-positive malignant melanoma patients utilizing shotgun proteomics guided by histopathological characterization and genomic data.</u> L. H. Betancourt, K. Pawłowski, J. Eriksson, A. M. Szasz, S. Mitra, I. Pla, C. Welinder, H. Ekedahl, P. Broberg, R. Appelqvist, M. Yakovleva, Y. Sugihara, K. Miharada, C. Ingvar, L. Lundgren, B. Baldetorp, H. Olsson, M. Rezeli, E. Wieslander, P. Horvatovich, J. Malm, G. Jönsson, G. Marko-Varga <i>Scientific Reports</i> (2019) <i>9</i>:5154.7. <u>Genome-wide functional analyses of plant coiled-coil NLR-type pathogen receptors reveal essential roles of their N-terminal domain in oligomerization, networking, and immunity.</u> T. Wróblewski, L. Spiridon, E. C. Martin, A.-J. Petrescu, K. Cavanaugh, M. Jose-Truco, H. Xu, D. Gozdowski, K. Pawłowski, R. W. Michelmore, F. L. W. Takken. <i>PLoS Biology</i> (2018) <i>16</i>: e20058218. <u>Global pentapeptide statistics are far away from expected distributions.</u> J. Poznański, J. Topiński, A. Muszewska, K. Dębski, M. Hoffman-Sommer, K. Pawłowski, M. Grynberg. <i>Scientific Reports</i> (2018) <i>8</i>:15178.9. <u>Protein AMPylation by an evolutionarily conserved pseudokinase.</u> A. Sreelatha, S. S. Yee, V. A. Lopez, B. C. Park, S. Pilch, K. A. Servage, J. Zhang, J. Jiou, L. Kinch, M. Karasiewicz,

	<p>M. Łobocka, N. Grishin, K. Orth, R. Kucharczyk, K. Pawłowski, D. R. Tomchick, V. S. Tagliabracci. <i>Cell</i> (2018) 175:809-821.</p> <p>10. <u>Phosphoproteomics Offers Insight into Processes Influenced by the Predicted Kinase DIA1/C3orf58.</u> A. Hareza, M. Bakun, B. Swiderska, A. Koscielny, M. Dudkiewicz, J. Jaworski, M. Dadlez, K Pawłowski. <i>PeerJ</i> (2018) 6:e4599.</p>
Doświadczenie w pracy z doktorantami (obronione doktoraty, otwarte przewody), chronologicznie	<p>Obronione doktoraty: dr Anna Lenart, IBD im. Nenckiego PAN, 2012 dr Teresa Szczepińska, IBD im. Nenckiego PAN, 2012</p> <p>Otwarte przewody: Mgr Agnieszka Haręza (2018) Mgr Marcin Gradowski (2018)</p>
Dorobek projektowy/grantowy (z ostatnich 10 lat)	<p>Projekt im. Bekkera NAWA nr PPN/BEK/2018/1/00431 "Novel uncharacterised enzymes in cellular signalling" (202.000 PLN, 2019-2020)</p> <p>Grant Opus NCN nr 2014/15/B/NZ1/03359 "Biological function of the evolutionarily conserved kinase SELO, common to most living organisms - study in bacterial and yeast models" (1.274.310 PLN, 2015-2019).</p> <p>Grant Opus NCN nr 2012/05/B/NZ3/00413 "The role of the FAM69 protein family in the nervous system. Analysis of a novel family with potential protein kinase function" (630.000 PLN, 2013-2016).</p>
Zakres tematyczny – problem badawczy – do rozwiązania którego poszukuje się doktoranta	Bioinformatyczne poszukiwanie i badanie nowych rodzin potencjalnych enzymów zaangażowanych w modyfikacje posttranslacyjne
Podstawowe oczekiwania wobec kandydata na doktoranta	<p>zdolność do samodzielnego wyciągania wniosków, umiejętność interpretacji danych,</p> <p>dobra znajomość języka angielskiego</p> <p>ukończone studia magisterskie z biologii, informatyki lub dziedzin pokrewnych</p>
<u>Dane kontaktowe:</u> Wydział/Instytut Adres e-mail Telefon	<p>Wydz. Rolnictwa i Biologii</p> <p>krzysztof_pawlowski@sggw.pl</p> <p>+48 22 593 2721</p>