

Wizytówka naukowa kandydata na promotora

maksymalnie 2 strony – powinna to być synteza najważniejszych elementów dorobku

Imię i nazwisko, stopień, tytuł naukowy: Hanna Bolibok-Bragoszewska, prof. dr hab.	
Dyscyplina naukowa/dyscypliny naukowe	Nauki biologiczne
Rozwój zawodowy (stopnie i tytuły naukowe) chronologicznie	magister inżynier – 1999 doktor nauk rolniczych – 2004 doktor habilitowany nauk biologicznych – 2016 profesor nauk biologicznych - 2025
Najważniejsze publikacje/patenty/ z ostatnich 3 lat (maksymalnie 10)	<p>1. Salava H, Mosleh IS, Stojałowski S, Bolibok-Bragoszewska H, Myśków B, Maghuly F (2026) Comprehensive characterization of the rye dwarfism locus (<i>dw10</i>) on chromosome 5R: Phenotypic and molecular insights. <i>Current Plant Biology</i> 46:100592 doi.org/10.1016/j.cpb.2026.100592</p> <p>2. Werghi S, Koboyi BW, Chan-Rodriguez D, Bolibok-Bragoszewska H (2025) Genome-wide, high-density Genotyping approaches for plant germplasm characterisation (methods and applications). <i>IJMS</i> 26: 11833 doi.org/10.3390/ijms262411833</p> <p>Chan-Rodriguez D, Koboyi BW, Werghi S, Till BJ, Maksymiuk J, Shoormij F, Hilderlith A, Hawliczek A, Królik M, Bolibok-Bragoszewska H (2025) Phosphate transporter (<i>Pht</i>) gene families in rye (<i>Secale cereale</i> L.) -genome-wide identification, characterization and sequence diversity assessment via DArTresseq. <i>Frontiers in Plant Science</i> 16:x doi: 10.3389/fpls.2025.1529358</p> <p>2. Hawliczek A, Borzecka E, Tofil K, Alachiotis N, Bolibok L, Gawroński P, Siekmann D, Hackauf B, Dusinsky R, Svec M, Bolibok-Bragoszewska H. (2023) Selective sweeps identification in distinct groups of cultivated rye (<i>Secale cereale</i> L.) germplasm provides potential candidate genes for crop improvement. <i>BMC Plant Biology</i> 23:323, https://doi.org/10.1186/s12870-023-04337-1.</p> <p>3. Shroomji F, Mirlohi A,, Chan-Rodriguez D, Bolibok-Bragoszewska H, Saeidi G, 2023. Characterization of 14 Triticum species for the NAM-B1 gene and its associated traits. <i>PLoS ONE</i>, 18(8): e0287798, https://doi.org/10.1371/journal.pone.0287798</p> <p>4.</p>

<p>Doświadczenie w pracy z doktorantami (obronione doktoraty, wszczęte przewody/postępowania), chronologicznie</p>	<p>Ewa Borzęcka: temat: Wykorzystanie biblioteki BAC do integracji map fizycznych i genetycznych oraz identyfikacji genów związanych z udomowieniem i odpornością na choroby żyta. Obrona 2023. Promotor</p> <p>Brian Wakimway Koboyi. Temat: Proteomics-aided identification of genes related to rye's (<i>Secale cereale</i> L.) response to phosphorus deficiency and their characterization. Drugi rok studiów w Szkole Doktorskiej SGGW w Warszawie. Promotor</p> <p>Sikandar Shah. Temat: Impact of P-deficiency on rye (<i>Secale cereale</i> L.) root architecture and transcriptome. Pierwszy rok studiów w Szkole Doktorskiej SGGW w Warszawie. Promotor</p>
<p>Dorobek projektowy/grantowy (z ostatnich 5 lat)</p>	<ol style="list-style-type: none"> 1. Odpowiedź na niedobór fosforu u żyta (<i>Secale cereale</i> L.) - różne poziomy (molekularne, morfologiczne) i wzory przestrzenno-czasowe, NCN Opus 28, 2025 - 2029 2. Identyfikacja i charakterystyka genów warunkujących wykorzystanie fosforu u żyta (<i>Secale cereale</i> L.) - rośliny o wysokiej tolerancji niedoboru składników pokarmowych, NCN, Opus 19, 2021-2026. 3. Wpływ selekcji na genom rośliny uprawnej – identyfikacja i charakterystyka sekwencji, na które nakierowana była presja selekcyjna w trakcie udomowienia i hodowli żyta (<i>Secale cereale</i> L.), NCN Sonata Bis4, 2015-2022.
<p>Zakres tematyczny projektu naukowego, do którego rekrutuje się doktoranta</p>	<p>Integracyjna analiza transkryptomu i metabolomu w identyfikacji determinant wysokiej tolerancji żyta zwyczajnego (<i>Secale cereale</i> L.) na kombinację stresów abiotycznych.</p>
<p><u>Dane kontaktowe:</u> Instytut Adres e-mail Telefon</p>	<p>Instytut Biologii Katedra Genetyki Hodowli i Biotechnologii Roślin hanna_bolibok_bragoszewska@sggw.edu.pl 225932174</p>